Tls

Plateforme Génome et Transcriptome (GeT) / GenoToul Génome-Transcriptome

P11D

http://www.genotoul.fr/

• Responsable scientifique

Denis Milan - get@genotoul.fr

• Descriptions et Activités

La plateforme «Génome -Transcriptome» de la région toulousaine regroupe 2 plateformes (Génomique et Biopuces) et 3 plateaux techniques (Purpan, Rangueil et Saint-Martin-du-Touch).

> Site : Plateforme Génomique (GeT - PlaGe) / GenoToul Genomic IBiSA
• Responsables : Cécile Donnadieu (cecile.donnadieu@toulouse.inra.fr tel :05.61.28.55.88)
• Description : Séquençage nouvelle génération (Hiseq 2500, Hiseq 2000, Miseq, Roche 454). Analyse de méthylation et allèle spécifique. Séquençage Sanger de fragments PCR ou génomiques. Génotypage de marqueurs génétiques. Analyse de l'expression des gènes en temps reel (Biomark de Fluidigm).

> Site : Plateforme Biopuces (GeT - Biopuces) / GenoToul Biopuces IBiSA
• Responsable : Véronique Le Berre (leberre@insa-toulouse.fr tel : 05.61.55.94.71)
• Description : Production, analyse et développement de biopuces à ADN et à protéines.
Expériences de transcriptomique (ARNm et micro ARN), de génotypage (CGH-arrays)
Analyse de la régulation de l'expression des gènes (épigénétique) - Analyses statistiques
Séquençage nouvelle génération (Ion-Proton)

> Site : Plateau Transcriptomique Quantitative (GeT - TQ)
• Responsable : Jean-José Maoret (Jean-Jose.Maoret@inserm.fr tel : 05 61 32 56 08)
• Description : Plateau dédié à la qPCR moyen et haut-débit. Analyse sur cellule unique (transcrits) sur C1 Fluidigm en lien avec Biomark sur GeT-PlaGe.

> Site : Plateau de Génomique de Purpan (GeT - Purpan)
• Responsable : Nicolas Borot (nicolas.borot@udear.cnrs.fr tel : 05 61 15 84 22)
• Description : plateau de séquençage à façon (ABI 3130XL) de tout fragment d'ADN (plasmides, amplicons et génomiques) et génotypage. Séquençage moyen débit (Ion PGM).

> Site : Plateau Impact Transcriptomique des Xénobiotiques (GeT - TRiX)
• Responsable : Yannick Lippi (Yannick.Lippi@toulouse.inra.fr tel : 05 61 28 57 26)
• Description : Plateau dédié aux microarrays Agilent (expression ARNm et micro ARN). Automatisation de la préparation des librairies. Analyse biostatistique des données d'expression.

• Expertise - Prestations

GeT est une plateforme technologique de pointe, localisée à Toulouse, qui met à disposition de la communauté scientifique les outils et l'expertise dans le domaine de la génomique et de la transcriptomique. Rattachée à GénoToul, ses missions sont de :
• Proposer un service adapté à vos projets de séquençage nouvelle génération (NGS) haut débit ou séquençage Sanger, de génotypage, de transcriptomique
• Conseiller, former et animer un réseau scientifique
• Procurer aux utilisateurs les outils nécessaires les plus performants
• Répondre au mieux aux attentes des laboratoires publics et privés.
Voir http://get.genotoul.fr pour les dernières mises à jour

• Spécificités, originalité

La plateforme GeT apporte de façon coordonnée l'une des offres technologiques les plus complètes de France dans le domaine de la génomique et de la transcriptomique. Au travers GeT-PlaGe, elle joue un rôle majeur dans le projet d'envergure nationale Infrastructures d'avenir France Génomique. GeT-PlaGe et GeT-Biopuces sont toutes deux certifiées ISO9001 :2008.

• Modalités d'accès

• accès public/privé. Information et devis sur demande. Voir http://get.genotoul.fr

• Certifications, labels, logos des partenaires

IBiSA, ISO9001 :2008